Gene [Data set]

## MT CYT-B

**Homo sapiens (Human) :**

>NC\_012920.1:14747-15887 Homo sapiens mitochondrion, complete genome

ATGACCCCAATACGCAAAACTAACCCCCTAATAAAATTAATTAACCACTCATTCATCGACCTCCCCACCC

CATCCAACATCTCCGCATGATGAAACTTCGGCTCACTCCTTGGCGCCTGCCTGATCCTCCAAATCACCAC

AGGACTATTCCTAGCCATGCACTACTCACCAGACGCCTCAACCGCCTTTTCATCAATCGCCCACATCACT

CGAGACGTAAATTATGGCTGAATCATCCGCTACCTTCACGCCAATGGCGCCTCAATATTCTTTATCTGCC

TCTTCCTACACATCGGGCGAGGCCTATATTACGGATCATTTCTCTACTCAGAAACCTGAAACATCGGCAT

TATCCTCCTGCTTGCAACTATAGCAACAGCCTTCATAGGCTATGTCCTCCCGTGAGGCCAAATATCATTC

TGAGGGGCCACAGTAATTACAAACTTACTATCCGCCATCCCATACATTGGGACAGACCTAGTTCAATGAA

TCTGAGGAGGCTACTCAGTAGACAGTCCCACCCTCACACGATTCTTTACCTTTCACTTCATCTTGCCCTT

CATTATTGCAGCCCTAGCAACACTCCACCTCCTATTCTTGCACGAAACGGGATCAAACAACCCCCTAGGA

ATCACCTCCCATTCCGATAAAATCACCTTCCACCCTTACTACACAATCAAAGACGCCCTCGGCTTACTTC

TCTTCCTTCTCTCCTTAATGACATTAACACTATTCTCACCAGACCTCCTAGGCGACCCAGACAATTATAC

CCTAGCCAACCCCTTAAACACCCCTCCCCACATCAAGCCCGAATGATATTTCCTATTCGCCTACACAATT

CTCCGATCCGTCCCTAACAAACTAGGAGGCGTCCTTGCCCTATTACTATCCATCCTCATCCTAGCAATAA

TCCCCATCCTCCATATATCCAAACAACAAAGCATAATATTTCGCCCACTAAGCCAATCACTTTATTGACT

CCTAGCCGCAGACCTCCTCATTCTAACCTGAATCGGAGGACAACCAGTAAGCTACCCTTTTACCATCATT

GGACAAGTAGCATCCGTACTATACTTCACAACAATCCTAATCCTAATACCAACTATCTCCCTAATTGAAA

ACAAAATACTCAAATGGGCCT

**Mus musculus (Mouse):**

>NC\_005089.1:14145-15288 Mus musculus mitochondrion, complete genome

ATGACAAACATACGAAAAACACACCCATTATTTAAAATTATTAACCACTCATTCATTGACCTACCTGCCC

CATCCAACATTTCATCATGATGAAACTTTGGGTCCCTTCTAGGAGTCTGCCTAATAGTCCAAATCATTAC

AGGTCTTTTCTTAGCCATACACTACACATCAGATACAATAACAGCCTTTTCATCAGTAACACACATTTGT

CGAGACGTAAATTACGGGTGACTAATCCGATATATACACGCAAACGGAGCCTCAATATTTTTTATTTGCT

TATTCCTTCATGTCGGACGAGGCTTATATTATGGATCATATACATTTATAGAAACCTGAAACATTGGAGT

ACTTCTACTGTTCGCAGTCATAGCCACAGCATTTATAGGCTACGTCCTTCCATGAGGACAAATATCATTC

TGAGGTGCCACAGTTATTACAAACCTCCTATCAGCCATCCCATATATTGGAACAACCCTAGTCGAATGAA

TTTGAGGGGGCTTCTCAGTAGACAAAGCCACCTTGACCCGATTCTTCGCTTTCCACTTCATCTTACCATT

TATTATCGCGGCCCTAGCAATCGTTCACCTCCTCTTCCTCCACGAAACAGGATCAAACAACCCAACAGGA

TTAAACTCAGATGCAGATAAAATTCCATTTCACCCCTACTATACAATCAAAGATATCCTAGGTATCCTAA

TCATATTCTTAATTCTCATAACCCTAGTATTATTTTTCCCAGACATACTAGGAGACCCAGACAACTACAT

ACCAGCTAATCCACTAAACACCCCACCCCATATTAAACCCGAATGATATTTCCTATTTGCATACGCCATT

CTACGCTCAATCCCCAATAAACTAGGAGGTGTCCTAGCCTTAATCTTATCTATCCTAATTTTAGCCCTAA

TACCTTTCCTTCATACCTCAAAGCAACGAAGCCTAATATTCCGCCCAATCACACAAATTTTGTACTGAAT

CCTAGTAGCCAACCTACTTATCTTAACCTGAATTGGGGGCCAACCAGTAGAACACCCATTTATTATCATT

GGCCAACTAGCCTCCATCTCATACTTCTCAATCATCTTAATTCTTATACCAATCTCAGGAATTATCGAAG

ACAAAATACTAAAATTATATCCAT

## Saccharomyces cerevisiae

>NC\_027264.1:28951-36325 Saccharomyces cerevisiae isolate NCYC3594 mitochondrion, complete genome

ATGGCATTTAGAAAATCAAATGTATATTTAAGTTTAGTGAATAGTTATGTTATTGATTCACCACAACCAT

CATCAATTAATTATTGATGAAATATGGGTTCATTATTAGGTTTATGTTTAGTTATTCAAATTGTAACTGG

TATTTTTATAGCTATGCATTATTCATCTAATATTGAATTAGCTTTTTCATCTGTTGAACATATTATAAGA

GATGTGCATAATGGTTATATTTTAAGATATTTACATGCAAATGGTGCATCATTTTTTTTTATGGTAATGT

TTATGCATATGGCTAAAGGTTTATATTATGGTTCATATAGATCACCAAGAGTACTATTATGAAATGTAGG

TGTTATTATTTTCATTTTAACTATTGCTACAGCTTTTTTAGGTTATTGTTGTGTTTATGGACAGAGTGAG

ACAAGTATAAGTATATTATTATAATATCATACCATTAAATAAATTATTTTAATGAAATGATTATGTTTAT

ATATAACATATACCTAATTAGACATGCATTATTAGTAATAATTTTGTATGAAACTCTAATAATAATAATT

ATTATTAATTATTAAGGTAAGATTCATATGGATAGCGTAAGTCAATCTAATATTATAAAATATCGTAACA

TAAACAATATTTTTTTCTATTATTAATTAATAAATAATAATAAATAAAAATAATTATATGAGAAGTAAGA

TATTCAATTCTGTCTAGAATACATATATATACGTTAATACTCATCGGTATAAAATTAGAATCCTAAGTGA

ATTATTGAAAGTATAATAATATAAACTTGGTAAGCCCAATTATTTCCATATAATATTTATATTAATATTA

TATGGTAGTTATATATAATATTATTAAATAAATAATAATAGAAATTATAATATAGATAAGTGGGTAAAAG

ACTATTGAAAAAGCTAAAGATTATATGTAATGTATAATATAGATCAAATTATTTATATATTTTTATTAAA

ATATATAATAATGGTTAATATTATTATTAATTAATTAATTAATTAATAATAATAACGAATAAATGATTAA

TGTGAAAGCATGCTAACTTCAATATAGGATGATTTATATAGAATATAAATTGTTTGAGCTGTATACTATG

AAAGTAGTACGTACAGTTCTGAGTGGGGGAAAATTTGTAAAAATCTACCTATCACAATTGTCACATTGAG

GTAATATATATATCGCCTTAAATATGTTTTATATTATAATAATAATAATAAATATAATAATTTTAATATA

TAATAAATATATTATTAATATAAAAATAATTAATAAGAAGGAAATAAATAATTATATTGGACCATTAAAT

ATAGATATTATATCTATTATTTATGGTTCTATATTAAGTAATAGTTATGCTTTAAAAATTAAAGGTGGTA

CTAAAATTATTTTTCAACAAGAAAATATACATAATGATTATTTATATTATTTACATAGTTTATTAGCTAA

TTTAGGTTATTGTAATACTAATTTACCTATTATTAAAACAAAATTAAATAAAAAAGGTAAAATTATAAAA

TATTTAAATTTTGAAACTTGAAAATATAAATCTTTTAATTATATTTTTATAGATTGATATAAAAAAAATA

AATTAAATAAAAATTATATTAAAGTTTTACCTAAATCTTTAAATATATATTTAACACCATTAGCTTTAGC

TATCTGAATCATAGATAATAATTGTAAATTTAATAAAAAATTAATATTCTTTATAAATTATTTTAAATAT

AATGATATATTATTCTTAAAAAATTTATTATATTATAAATATAATATTAATACTACTATTTATAATAATA

ATAATAATAATAATAATAATTTAAATAATACACAATATATTATTTATGTATCTAAAGAATCAATACCACT

TTTAAATAAAATTGTATCACCATATATTATTCCAAGTATAAAATATAAATTAAATAATTATTTAGTTCCG

GGGCCCGGCAACGGGAGCCGGAACCCCGAAAGGAGTATAAATATATAAAATAAAAAAATATATATAATAT

AATATAAAACATATAGTATTATAATTTTATTTATTTATTATAATGCAATATTATTGAAAACATGTCAAAA

TTATATTATTAAGTAACAAGACAGTGGGTTATATAATTAATATGATCCCAACAGAATACACCAATAATAG

ATATTATTATAAAAATAATATAATAATATTTAATGTTTATTCGAAGAAAATTTATAATATTTATTATTAT

AACACAAGGTTTAATAATCTATATATATATATATATATATATATATAACTACTATTATTATTATTACATT

TATTTAATTAATATATAAATAATGAATTATAATTATTATGATTAATATATTTATAATAATAATCTTATTA

TAATATTAATATATAATAGTTCCGGGCCCCGGCCACGGGAGCCGGAACCCCGGAAGGAGTAATATATAAT

ATTTAATATATAACATTAATATATAACATTAATATATAACATTAATATATAATATTTATATTATAGTATT

ATTAAGATATAATATTTATTTATAATATAGATATTGATTAAATGTAATTATAAATATAAAGGGTAGATAT

TATTAAATACAGGGTATTATTTATATTAATAAATCAATAATTAATTAATTGATATTATTATTATTAAAAA

AAAAAATAATAATAATTTATAAATAATATTATTTTCTTGGCACTAGTTATTACTAATTTATTCTCAGCAA

TTCCATTTGTAGGTAACGATATTGTATCTTGATTATGAGGTGGGTTTAATATAGAGGATCCATATTATAG

TAATATAATATTAAATAAATCTGTTTTATGCTGAAATATCTTCATTTGAATAATAAATTACTATATTATT

CAATTAATTATTTATAATAATATAATTTGAAATAAAAATAATATAGTTAAAATATTTATTATAAGAAGAA

AATTAGCAGTAATTAATATATATATATATATAAAATTAATTATTCAGAGACTTTATAGTTATTATATAAA

TAATACTATTATTTATGATAAAAATCATAAATTAAACACAGATAATCCTATTTATGCATATATTGTTGGT

TTATTTGAAGGTAATGGTTGAATTACTATTTCAAAAAAAGGTAAATATTTATTATATGAATTAGGTATTG

AAATACATATTAAAGATATCCAATTATTATATAAAATTAAAAATATTTTAGGTATTGGTAAAGTATCAAT

TAAAAAATTAAAAATAAAAGATGGTACTATTAAAGAAATATGTAAATTTAATGTAAGAAATAAAAATCAT

TTAAAGAATATTATTATTCCTATTTTTAATAAATATCCTATATTAACTAATAAACATTATGATTATTTAT

ATTTTAAAGATAATTTATTAAAAGATATTAAATATTATAATGATTTATCTTATTATTTACGTCCTATTAA

ACCATTTAATACTCTTGAAGATATTTTAAATAAAAATTATTTTTCTTCATGATTAATTGGTTTTTTTGAA

GCTAAAAGTTGTTTTAGTATTTATAAACCTATAAATAAAAAAATAAAACTTGCTAGTTTTGAAGTATCTA

TAAATAATAATATAGAAGTTATATTAGCTATTAAATCATATTTAAAAATTAATAATAATATTTATATAAA

TGAATTTAATAATTCAAAAATAACACTTAAAAGTATTAATGATATTAAAAATGTTGTAATATTTATTAAT

AATAATCCTATTAAATTATTAGGTTATAAAAAATTACAATATTTATTATTCTTAAAAGATTTACGTCTTA

TTCTTAAATATAATAATTATTTTAAAATTCCTCCTAAATATTAATCTTATATAAAAATATAATAATAATA

TATTTATATATTATATAATTATATAAACAAAATATAATTTATATATAATTATTTATTATAAATATAGTCC

GGCCCGCCCCGCGGGGGCGGACCCCGAAGGAGTGAGGGACCCCTCCCCAACGGGAGGGGGACCGAACCCC

GAAGGAGTGCGGGACCCCGTGGGAACCGCATCCCTTTTTATTTTTAATTAAGAAGGAGTGAGGGACCCCT

CCCTATTCTAATGGGAGGGGGACCGAACCCCTATTTAAGAAGGAGTGAGGGACCCCTCCCTATACTTATA

CTAATGGGAGGGGGACCGAACCCCGAAGGAGTTTAATTATATATTAAATATATTATTATCAATAAATAAT

TCCTTTGAACTATTTATTATTTTATTATATTTATTTTCTCCTTCATTATTAATTTTTATTAATAATTAAA

ATCTTATCATTTTATGGTATTTTATTTCTATTTTAGGATATCGAAACTATAAATTAAAAAGTATAATTTT

ATTAATTATAATTTATGATTAATAAATAAGAAATAAAAACTTTAGAAGTAATATTTATCTTTTTTTTTAT

AAATAAATATTATGATTAATATATAATCATTTATAAATATTTATATATAATTATATATATATACATAAAT

AGGATTAAGATATAGTCCGAACAATATAGTGATATATTGATAATAGTTTTCAAATATGTAACTATTTAAA

CATTAAAAGCTCAGTATCTAACCCTCTAATCCAGAGATTCTTTGCGTTACATTATTTAGTACCTTTTATT

ATTGCAGCAATGGTTATTATGCATTTAATGGCATTACATATTCATGGTTCATCTAATCCATTAGGTATTA

CAGGTAATTTAGATAGAATTCCAATGCATTCATACTTTATTTTTAAAGATTTAGTAACTGTTTTCTTATT

TATGTTAATTTTAGCATTATTTGTATTCTATTCACCTAATACTTTAGGTCAAAATATGGCCTTATTATTA

ATTACATATGTAATTAATATTTTATGTGCTGTATGCTGGAAATCTTTATTTATTAAATATCAATGAAAAA

TTTATAATAAAACTCTATATTATTTTATTATTAAAAATATTGCTTTAAATACAAAACAATTAAATAATTT

CGTATTAAAATTTAATTGAACAAAGCAATATAATAAAATAAATATTGTAAGTGATTTATTAAATCCCGAT

AGAGTAAAATATTATTATAAAGAAGATAATCAGCAGGTAACCAATATAAATTCTTCTAATACTCACTTAA

CGAGTAATAAAAAGAATTTATTAGTAGATACTTCAGAGACTACATGCACACATAAAAATAAATTTAATTA

TTTATTAAATATTTTTAATATAAAAAAAATAAATCAAATTATTCTTAAAAGACATTATAGTATTTATAAA

GATAGTAATATTAGATTTAACCAATGATTGGCCGGTTTAATTGACGGAGATGGTTATTTTTGTATTACTA

AAAATAAATATGCATCTTGTGAAATTCTTGTTGAATTAAAAGATGAAAAAATGTTAAGACAAATCCAAGA

TAAATTTGGTGGTTCTGTAAAATTAAGATCAGGTGTTAAGGCTATTAGATATAGATTACAAAATAAAGAA

GGTATAATTAAATTAATTAATGCCGTTAATGGTAATATTCGTAATAGTAAAAGATTAGTACAATTTAATA

AAGTATGTATTTTATTAAATATCTATTTTAAAGAACCTATTAAATTAACTAAAGATAATGCTTGATTTAT

AGGATTCTTTGATGCTGATGGTACTATTAATTATTATTATTCCGGTAAATTAAAAATTAGACCTCAATTA

ACTATTAGCGTTACAAATAAATATTTACATGATGTTGAATACTATAGAGAAGTATTTGGTGGTAATATTT

ATTTTGATAAAGCTAAAAATGGTTATTTTAAATGATCTATTAATAATAAAAAATTACATAATATTTTTTA

TCTTTATAATAAAAGTTGTCCTTCTAAATCTAATAAAGGTAAACGTTTATTTTTAATTGATAAATTTTAT

TATTTATATGATTTATTAGCTTTTAAAGCACCTCATAATACTGCTTTATATAAAGCTTGATTAAAATTTA

ATGAAAAATGAAATAATAATTAAATTTTCTCCGTATTCATTATTATATTCTCTAATTTATAAAATATTTA

AAGATTCCTTATAATAATATAACATCTTTGTAAATTATTGTTAAAGATAATATAAATTATTATGAATCGG

TAGATTATATTTTTACAATCTTATTAAATAAAATTCTGATCATTAAACATGATTGAATAAATAATAATAG

TTTATGAAATAGGATAGTGTAATATAAATTTTTATGAAGATATAGTCCATTTTATATTTATTATAAAAGC

ATCCTGATAACTATATTCCTGGTAATCCTTTAGTAACACCAGCATCTATTGATATTAAAAATATTAATAA

AATTATTATTATTTAATCTTATTTATTTTATATAAAAAAAAAAAAATAAATAATAATTATTAATAAAAAT

ATATTATTTATTTCTCCTTTTGGGGTTATTTATATATATTCCTTTATAATTTATATTTAATATATTATAT

TAAATATATGAAAAATTATAATAAATAAATTAATTAATTAATAATAAATAATAATAAAAAGTACAGTAGC

ATTAAATATTCTTAAGTTTCTGCTTTGTGGGAACCCCATAAGGAGTTTAATGATTAAAAATTGGTTAATT

GTCAAGAAAATCTAAGGTATTAATAAATAAATAATACTATGACAACTTGCAGCGAAGTTTATATCATCTC

TATATTATATATTAATATATATATATAATAATAATAATAATATTAATATAATATAAGATATAAAAACGTT

CAACGACTAGAAAGTGAACTGAGATAGTAATACCTTTCCACGAAAACCAATTAATTTATAAATTATTTTT

AAATAAAGAATAGATTATTAATTTTTTTTTATATAGTTCCGGGCCCCGGCCACGGGAGCCGGAACCCCGG

AAGGAGTAATATATATTATATATAAAATAAAAAATATATATATATATATTATAAAATATCAAAAGTTTTA

ATCTTTTATTATAAATTAATGACATAGTCTGAACAATAATGAAAATTATTGAGATAAGATATTAAATAAT

CTTATGTTAACATATATAAATTGTGTACCTGAATGATACTTATTACCATTCTATGCTATTTTAAGATCTA

TTCCTGATAAATTATTAGGAGTTATTCTAATGTTTGCAGCTATTTTAGTATTATTAGTTTTACCATTTAC

TGATAGAAGTGTAGTAAGAGGTAATACTTTTAAAGTATTATCTAAATTCTTCTTCTTTATCTTTGTATTC

AATTTCGTATTATTAGGACAAATTGGAGCAAGCCATGTAGAAGTACCTTATGTCTTAATGGGACAAATCG

CTACATTTATCTACTTCGCTTATTTCTTAATTATTGTACCTGTTATCTCTACTATTGAAAATGTTTTATT

CTATATCGGTAGAGTTAATAAATAA

**Danio rerio (Zebrafish):**

>NC\_002333.2:15308-16448 Danio rerio mitochondrion, complete genome

ATGACAAGCCTGCGAAAAACACACCCAGTTTTAAAAATCGCTAATGACGCATTAGTTGATTTGCCAACGC

CACTAAATATTTCAGCGTGATGAAATTTTGGATCTCTCCTTGGATTATGTCTTATTACACAAATTTTAAC

AGGACTATTTTTAGCAATACACTACACCTCAGACATCTCAACAGCATTTTCATCTGTTGTGCATATTTGC

CGAGATGTAAATTTCGGCTGACTTATTCGGAGCATCCATGCCAATGGGGCTTCCTTCTTCTTCATCTGCC

TGTATATTCACATCGCCCGAGGACTATATTACGGATCTTATCTTTATAATGAAACTTGAAACATCGGAGT

AGTCCTGTTCTTACTTGTAATAATAACAGCTTTTGTGGGCTACGTCCTTCCATGGGGCCAAATATCATTC

TGAGGGGCCACAGTAATTACTAACCTATTATCGGCCGTTCCTTACGTGGGAGATACCCTAGTGCAATGAA

TCTGAGGGGGATTCTCAGTAGACAATGCAACCCTTACACGATTCTTCGCATTCCACTTTTTATTACCATT

TATTATCATCGCCATAGTTATTCTACACTTGCTATTTCTCCACGAAACCGGATCAAATAACCCCCTTGGC

CTAAACCCCAACATGGATAAAATCCCCTTTCATCCTTATTTTTCAAATAAAGACCTCCTTGGTTTTGTAA

TTATATTATTTTCCCTCTCACTATTAGCACTATTCTCACCAAACCTCTTAGGAGATCCAGAAAATTTCAC

CCCTGCTAACCCTCTAGTAACACCTCCTCACATTAAACCAGAATGATATTTCCTATTCGCATACGCCATT

CTACGATCTATCCCAAACAAACTAGGAGGTGTACTAGCTCTCTTATTTTCCATTTTAGTATTAATAGTAG

TACCAATTTTACACACTTCTAAACAGCGAGGAATAGCATTCCGCCCAGTTACCCAATTTCTGTTCTGAAC

ACTGGTAGCAGACATGCTTGTACTAACATGAATTGGAGGGATACCAGTAGAACACCCCTACATCATCATT

GGACAAATAGCATCAATCTTATATTTTTCACTATTCTTAGTCTTATTCCCAATTACAGGGATTTTAGAGA

ATAAGGCACTCCAATGAAGCT

**Plasmodium falciparum (Malaria parasite) :**

>NC\_037526.1:3492-4622 Plasmodium falciparum complete mitochondrial genome, isolate K1

ATGAACTTTTACTCTATTAATTTAGTTAAAGCACACTTAATAAATTACCCATGTCCATTGAACATAAACT

TTTTATGGAATTACGGATTCCTTTTAGGAATAATATTTTTTATTCAAATTATAACAGGTGTATTTTTAGC

AAGTCGATATACACCAGATGTTTCATATGCATATTATAGTATACAACACATTTTAAGAGAATTATGGAGT

GGATGGTGTTTTAGATACATGCACGCAACAGGTGCTTCTCTTGTATTTTTATTAACATATCTTCATATTT

TAAGAGGATTAAATTACTCATATATGTATTTACCATTATCATGGATATCTGGATTGATTTTATTTATGAT

ATTTATTGTAACTGCTTTCGTTGGTTATGTCTTACCATGGGGTCAAATGAGTTATTGGGGTGCAACTGTA

ATTACTAACTTGTTATCCTCTATTCCAGTAGCAGTAATTTGGATATGTGGAGGATATACTGTGAGTGATC

CTACAATAAAACGATTTTTTGTACTACATTTTATCTTACCATTTATTGGATTATGTATTGTATTTATACA

TATATTTTTCTTACATTTACATGGTAGCACAAATCCTTTAGGGTATGATACAGCATTAAAAATACCCTTT

TATCCAAATCTATTAAGTCTTGATGTTAAAGGATTTAATAATGTTATAATTTTATTTCTAATACAAAGTT

TATTTGGAATTATACCTTTATCACATCCTGATAATGCTATCGTAGTAAATACATATGTTACTCCATCTCA

AATTGTACCTGAATGGTACTTTCTACCATTTTATGCAATGTTAAAAACTGTTCCAAGTAAACCAGCTGGT

TTAGTAATTGTATTATTATCATTACAATTATTATTCTTATTAGCAGAACAAAGAAGTTTAACAACTATAA

TTCAATTTAAAATGATTTTTGGTGCTAGAGATTATTCTGTTCCTATTATATGGTTTATGTGTGCATTCTA

TGCTTTATTATGGATTGGATGTCAATTACCACAAGATATATTCATTTTATATGGTCGATTATTTATTGTA

TTATTTTTCTGTAGTGGTTTATTTGTACTTGTTCATTATAGACGAACACATTATGATTACAGCTCCCAAG

CAAACATATAA

**Xenopus laevis (African clawed frog):**

>NC\_001573.1:16249-17388 Xenopus laevis mitochondrion, complete genome

ATGGCACCCAACATCCGTAAATCTCATCCATTAATTAAAATTATTAATAATTCTTTCATTGACCTCCCAA

CCCCATCAAACATTTCATCATTATGAAACTTCGGCTCTCTTCTAGGGGTCTGTTTAATTGCCCAAATCAT

TACAGGATTATTCTTAGCTATACATTATACAGCAGACACATCTATAGCCTTCTCATCAGTAGCCCATATT

TGTTTTGACGTTAACTATGGATTATTAATTCGCAATCTCCATGCCAATGGACTCTCATTCTTCTTCATTT

GCATCTACCTTCACATCGGACGAGGGTTGTACTACGGCTCTTTCTTATATAAAGAAACATGAAATATTGG

TGTGATCCTCCTATTTTTAGTTATAGCTACAGCATTTGTAGGATATGTTCTACCATGAGGACAAATATCT

TTTTGAGGGGCTACAGTAATTACTAATCTTCTTTCTGCTAAACCGTACATCGGAAACGTACTAGTCCAAT

GAAGTTTAGGAGGATTCTCTGTAGATAACGCCACTTTAACCCGATTCTTCGCATTTCACTTCCTCCTTCC

TTTTATTATTGCCGGAGCTAGCATTCTCCATCTTTTATTTCTCCACGAAACTGGATCAACAAACCCAACT

GGATTAAACTCAGACCCAGATAAAGTACCTTTCCACCCATACTTCTCTTACAAAGACCTTTTAGGCTTCC

TTATTATACTTACAGCACTTACTCTCCTAGCCATATTTTCCCCAAACCTTTTAGGAGACCCAGACAATTT

TACCCCAGCTAATCCTCTAATCACCCCTCCACATATTAAACCAGAATGATACTTCCTATTCGCCTACGCT

ATCCTTCGATCCATAAACAAACTAGGCGGAGTGTTAGCCCTAGTCCTATCCATCCTAATCTTAGCCCTCA

TACCATTACTCCACACATCAAAACAACGAAGCCTTATATTCCGACCATTTACACAAATCATATTTTGAGC

CCTAGTTGCAGATACACTAATCCTAACCTGAATTGGAGGTCAACCAGTAGAAGACCCTTATACCATAATT

GGACAGTTAGCCTCAGTAATTTACTTCTCAATCTTTATTATTATATTCCCACTTATAGGTTGAGTAGAAA

ATAAACTATTAAACTGATAG

**Ascaris suum:**

>NC\_001327.1:5433-6530 Ascaris suum mitochondrion, complete genome

ATTAAGTTGGATTTTGTTAATTCTATGGTTGTTAGGTTACCGTCTAGTAAGGTTTTAACTTATGGTTGGA

ATTTTGGTAGTATGTTGGGCATGGTTTTGGGTTTTCAGATTTTGACTGGTACTTTTTTGGCTTTTTATTA

TTCTAATGATGGTGCTTTGGCCTTTTTGAGTGTTCAATACATTATATATGAAGTTAATTTTGGTTGGATT

TTTCGTGTTTTACATTTTAATGGTGCTAGTTTGTTTTTTATTTTTTTGTATTTGCATTTATTTAAGGGAT

TGTTTTTTATGAGTTATCGTTTGAAGAAGGTTTGGGTATCTGGTATTGTAATTCTTCTTTTGGTTATAAT

GGAGGCTTTTATGGGTTATGTTTTAGTGTGGGCACAAATGAGGTTTTGGGCTTCTGTGGTTATCACTAGT

TTATTGAGTGTAATTCCTGTCTGAGGTTTTGCTATTGTTACTTGAATCTGAAGTGGGTTTACGGTTTCTA

GTGCTACTTTGAAATTTTTTTTTGTTTTGCATTTTTTGGTGCCTTGGGGGTTGTTGTTATTAGTTTTATT

ACATTTGGTTTTTTTGCATGAGACTGGAAGAACTTCTAAATTGTACTGTCATGGTGATTATGATAAGGTT

TGTTTTTATCCTGAGTATTGGGTCAAGGACTTTTTGAATGTGGTAGTTTGGTTTGTTTTTATTTTTTTTT

CTTTGGGTTACCCGTTTCTTTTGGGTGATCCTGAAATGTTTATTGAGTCTGATCCTATAATGAGGCCTGT

TCATATTGTGCCTGAGTGATATTTTTTGTTTGCTTATGCTATTTTGCGTGCTATTCCTAATAAGGTTTTG

GGGGTTGTGTCTTTGTTTGCTAGTATTTTGGTTCTTGTTGTTTTTGTTTTGGTGAATAACTATGTTTCTG

TGATGTCTAAATTGAATAAGTTTCTTGTTTTTGTTTTTATTTTTGTTTTGGTGGTTTTGAGTTGACTTGG

GCAGTGTTTGGTTGAGGATCCGTTTGTTTTTTTAAGTATGGTTTTTTCTTTTTTGTATTTTTTTGTTATT

TTTTTATTATTTTTGGTGTATTATTTTGCTGGTCGTGTTTTTATGTAG